

DATI ANAGRAFICI

Nome: Ariele
Cognome: Rosseto

POSIZIONE ATTUALE

Ricercatrice, Senior Scienista con esperienze pregresse nell'ambito Onco-ematologico e Genetico Farmaceutico. Determinata a sviluppare una solida carriera nel settore scientifico e farmacologico, dopo avere acquisito esperienze lavorative nazionali ed internazionali sia in industrie farmaceutica multinazionale e con diverse Università. Capacità di adattamento e **flessibile nel ricoprire ruoli tra loro sinergici**, secondo le esigenze aziendali. Analisi e **monitoraggio delle attività e project Management**. Capacità di sintesi e **comunicazione efficace**. Creatività e ottime doti organizzative e relazionali. **Analisi e pianificazione del processo di esecuzione e evoluzione dei progetti**. Capacità di leadership e di lavoro di squadra.

ATTIVITÀ DI RICERCA/ESPERIENZE LAVORATIVE

Dal 02/2023 al 31/01/2024: Contrato di Collaborazione (Co.Co.Co.) con Centro di ricerca di Ematologia ed Oncologia, Dipartimento di Medicina dell'Università degli studi di Perugia (Prof. Brunangelo Falini) per lo svolgimento delle attività di generazione di nuovi anticorpi monoclonali nelle leucemie alla fine di sviluppare nuove strategie terapeutiche mirate e collaborazione con il progetto di ricerca sulle cellule CAR-T.

Dal 09/2022 al 01/2023: Collaborazione Occasionale Volontaria e gratuita per lo studio e progettazione delle attività di generazione di nuovi anticorpi monoclonali nelle leucemie alla fine di sviluppare nuove strategie terapeutiche mirate. Dipartimento di Medicina dell'Università degli studi di Perugia (Prof. Brunangelo Falini).

Dal 06/2022 al 12/2022: Collaborazione Volontaria e gratuita per la stesura di un progetto di ricerca presso dipartimento di Biotecnologia dell' Università Federale del Brasile UFES (Prof.ssa Flavia Imbroisi Valle Errera) per sviluppo di screening diagnostico e marcatori prognostici di Malattie Rare con focus su "Studi che dimostrano l'applicazione di sequenziamento di nuova generazione come test di prima linea per accelerare il diagnosi di Malattie rare" e "Valutazione della variabilità di penetranza ed espressività nella malattia rara (associazione tra genotipo e fenotipo)".

Dal 08/02/2021 al 04/02/2022: Senior Scientist EVOTEC (Abingdon Oxford – Regno Unito)

Senior Scientist con contratto a tempo indeterminato presso Dipartimento di Biologia Strutturale, lavoro svolto nel Laboratorio di Produzione di Proteine / cellule di Mammiferi ed insetti. Ho lavorato in diversi progetti per Evotec e Clienti esterni (aziende farmacologiche e Università) per ottimizzare e creare nuove

proteine per la produzione di nuovi farmaci mirati per le terapie genetiche ed oncologiche e altre cure farmacologica. La mia responsabilità quotidiana era svolta nel laboratorio di biologia cellulare, compiti di organizzazione e progettazione del lavoro individuale e in team, con analisi ed esecuzione di trasfezione transitoria e infezione di cellule specifiche su piccola e larga scala da 30 mL a 30 L di cellule per la produzione di proteine. controllo qualità dei risultati e presentazione dei dati.

Dal 17/07/2018 al 09/03/2020: Biologo Genetista "Genetic Scientist pre-registered" NHS Oxford University Genetics Laboratorio Diagnostica (Oxford - Regno Unito)

Contratto di lavoro a tempo determinato di fascia 6 presso l'Oxford Genetics Laboratory con sede all'Oxford University Hospitals NHS Foundation Trust, The Churchill Hospital - Oxford, Regno Unito.

Scopo principale della posizione lavorativa:

Svolgere incarichi clinici, scientifici, tecnici e gestionali, sotto la supervisione del caposezione e del direttore di laboratorio, all'interno di una o più sezioni designate che forniscono una serie di indagini specialistiche o complesse.

Assumendo un alto livello di responsabilità per il mio lavoro con la responsabilità finale per la qualità, l'accuratezza e l'interpretazione dei risultati.

Comunicare complesse informazioni scientifiche e tecniche e fornire consulenza specializzata ad altri operatori sanitari.

Contribuire alla ricerca e allo sviluppo di servizi pertinenti agli obiettivi del dipartimento e acquisire nuove capacità e competenze scientifiche per mantenere il laboratorio all'avanguardia negli sviluppi scientifici.

Partecipazione all'insegnamento e alla formazione.

ULTERIORI INCARICHI RIGUARDANO:

- Familiarità con il servizio oncologico, comprensione della panoramica delle strategie (diagnostica del cancro al seno, alla prostata e all'intestino), tipi di campioni e principali ragioni di riferimento, inclusa la consapevolezza della revisione del team della malattia (senza responsabilità per ciò)
- Utilizzare Starlims software e le cartelle dei pazienti
- 1° controllo e analisi del Seq scanner Sanger Sequencing (mediante mutazione),
- 1° controllo e analisi MLPA (Coffalyser)
- 1° controllo e NGS (software Sophia DDM), Esecuzione della pipeline con Sophia DDM, rivelazione ed esportazione dei dati con Sophia DDM, caricamento dei dati in StarLIMS, visualizzazione dei dati in Alamut, analisi del dosaggio con Sophia DDM, verifica e registrazione delle varianti in StarLIMS e Alamut .
- Indagine sulle varianti con Alamut. Nomenclatura e indagine di database.
- Genera report (schermate negative e positive, test familiari)
- Invia campioni via (DNA e FFPE)
- Richiedere controlli positivi
- Progettare primer e utilizzare programmi di progettazione di primer, ordinare nuovi primer e primer necessari per i test di conferma (GEL/NGS)
- Utilizzare iPassport

- Valutazioni COSHH e assistenza nella revisione
- Verifica dei dati e preparazione della revisione per i dati PHE BRCA.

Dal 21/03/2018 al 16/07/2018: Biologo Tecnico - Nanopore Technologies. (Oxford - Regno Unito)

contrato di lavoro a tempo determinato presso la Oxford Nanopore Technologies (<https://nanoporetech.com/>) con sede presso l'Oxford Science Park, durante questo ruolo ho lavorato nella produzione di prodotti biologici e nell'assemblaggio di componenti per i vari kit di sequenziamento. Le responsabilità principali erano preparazione e l'etichettatura delle fiale del kit, l'erogazione del materiale, l'imballaggio del kit, il monitoraggio e il controllo delle scorte e manutenzione della strumentazione. Ulteriori compiti riguardano l'assistenza alla sterilità dell'ambiente di laboratorio, la preparazione di reagenti e prodotti chimici per uso generale e kit specifici Nanopore e il supporto alla produzione di componenti biologici/ DNA e proteine.

Dal 03/05/2017 al 30/09/2017: TRAINEESHIP / RESEARCH MRC (Harwell Campus - Oxford UK)

Traineeship, per la conclusione della laurea magistrale in Biologia Molecolare, tesi di laurea svolta presso l'Università di Perugia con tirocinio formativo svolto presso il centro di ricerca per il diabete ed Obesità al MRC Harwell, Harwell Science & Innovation Campus Oxfordshire, in collaborazione con Università di Oxford Regno Unito.

Dal 02/11/2014 al 02/05/2017: Biologo - categoria D1, Personale T.A. Tempo determinato, area Tecnica, tecnico-scientifica ed elaborazione dati, Dipartimento di Medicina presso Università Degli Studi di Perugia Sede di Foligno.

Supporto tecnico al "Progetto di miglioramento servizi a favore degli studenti del C.d.L. in Infermieristica", sede di Foligno, tramite attivazione, manutenzione ed utilizzazione del laboratorio didattico, presso il corso di Laurea in Infermieristica di Foligno.

Come post-doc durante questo periodo ho partecipato ad un progetto di ricerca presso laboratorio di Farmacologia del Dipartimento di Medicina - Università Degli Studi di Perugia, seguendo il progetto di ricerca : Anti-rheumatoid arthritis activity of decoction from the leaves of the tree *Artocarpus tonkinensis* used in Vietnamese traditional medicine.

- Analisi quantitativa ed analisi di espressione con la tecnica di MicroArray e Real-Time (7900 Real-Time Applied)
- Studi della espressione delle proteine nelle linee cellulare con utilizzo della tecnica di western blot
- Studi di Immunofluorescenza
- test in vitro con utilizzo di linee cellulari con interesse di studi della farmacologia dell'Infiammazione.
- _ prove di Transfezione e messa a punto per il silenziamento genico con Crisp/Cas9.

Attività di ricerca svolta presso il laboratorio di Emopatologie (C.R.E.O) dell'Università degli Studi di Perugia (2011 al 2014) :

11/2013-11/2014: Progetto di ricerca : "La leucemia a cellule capellute: dalla genetica alla terapia mirata"

Responsabile Scientifico Prof. Enrico TIACCI.

Vincitore del concorso per l'attribuzione dell'Assegno per la collaborazione ad attività di ricerca relativa al progetto dal titolo: "La leucemia a cellule capellute: dalla genetica alla terapia mirata" presso dipartimento di Medicina Clinica e Sperimentale in data 11.11.2013 decreto n. 355.

09/2011- 09/2013 Progetto di ricerca: "Identificazione di nuove lesioni genetiche nel linfoma di Hodgkin"

Responsabile Scientifico Prof. Brunangelo FALINI

Vincitore del concorso per l'attribuzione dell'Assegno per la collaborazione ad attività di ricerca relativa al progetto dal titolo: "Identificazione di nuove lesioni genetiche nel linfoma di Hodgkin" Responsabile Scientifico Prof. Brunangelo FALINI afferente alla Sez. di Ematologia ed Immunologia Clinica del Dipartimento. Voto totale 100/100 in data 13/09/2011 decreto n.296 presso Università degli Studi di Perugia

- Estrazione del DNA e analisi di sequenziamento del gene BRAF nei paziente HCL
- Analisi di sequenziamento del esoma umano in particolare per i gene *BCOR* e *DNMT3a* con utilizzo dei software con la basi di bioinformatica e biologia molecolare per una quantità di 500 pazienti con la patogenesi di Leucemia Acuta Mieloide (LAM).
- Analisi quantitativa ed analisi di espressione del gene *BCOR* con la tecnica di Real-Time In particolare è stato utilizzati gli assay della applied biosystems (7900 Real-Time Applied)
- Studi molecolare di vari onco-geni correlati nella patogenesi della Leucemia Acuta Mieloide (LAM)
- Studi della espressione della proteina/gene *BCOR* in 77 linee cellulare LAM con utilizzo della tecnica di western blot, Real time, PCR e sequenziamento Sanger.
- Studio di vari onco-geni correlati nella patogenesi del linfoma di Hodgkin, tramite analisi del DNA estratto da cellule acquisite in zone mirate tramite micro dissezione a laser per la identificazione di nuove lesioni genetiche nel linfoma di Hodgkin.

Attività di ricerca svolta presso il laboratorio di Genetica Medica del Dipartimento di Biologia Molecolare dell'Università degli Studi di Siena (2006-2010):

2009-2010

Progetto di ricerca con screening molecolare di malattie rare genetiche per un periodo di 3 mesi dal 01/07/2010 al 01/10/2010 svolta presso il Centro di Pediatria e Medicina dell'Adolescenza dell'Università di Freiburg (Germania).

Screening molecolare di malattie genetiche rare, mediante tecnica di Multiplex ligation-dependent Probe-Amplification (MLPA) per l'analisi dei gene *MECP2*, *FOXG1* e *TCF4*.

Screening per la ricerca di nuove delezioni o duplicazioni cromosomiche di pazienti con ritardo mentale MCA / MR, e malattie genetiche rare mediante tecnica di Array-CGH analisi (44k_105k).

2008 - 2009:

- Screening molecolare di malattie genetiche rare, mediante tecnica di Multiplex ligation-dependent Probe-Amplification (MLPA) per l'analisi del gene *MECP2*
- Screening molecolare per ricerca di delezioni o duplicazioni nel gene *MECP2* mediante tecnica di Real Time PCR.

2007 – 2008

Ricerca in Genetica Medica presso la Università degli Studi di Siena, con la scoperta di un nuovo gene responsabile della forma congenita della Sindrome di Rett (Ariani et al. 2008).

- Screening mutazionale con 62 casi di pazienti sospetti della Sindrome di Rett, con l'obiettivo di ricerca delle nuove mutazioni o polimorfismi nel gene *MECP2*.
- Studio della correlazione genotipo/fenotipo in pazienti affetti da Sindrome di Rett e analisi dei polimorfismi nei geni *CDKL5* e *BDNF*
- Screening internazionale per la ricerca di nuove mutazioni nel gene *FOXG1b*.
- Ricerca di mutazioni puntiformi nel gene *MECP2* mediante screening mutazionale con la tecnica di DHPLC (Denaturing High performance Liquid Chromatography) e sequenziamento diretto del DNA.

2006-2007

Progetto di ricerca con l'obiettivo di studiare l'effetto delle mutazioni nel gene *MECP2* e le correlazioni fenotipiche in uno score con 22 differenti caratteristiche cliniche in una corte di 158 pazienti Rett, mutati nel gene *MECP2*. Al fine di esaminare altri pertinenti abbiamo analizzato i polimorfismi nel gene *CDKL5* p.Q791P e *BDNF* p.V66M.

Progetto di ricerca con l'obiettivo di trovare nuove condizioni per l'analisi diretta di mutazione nel gene PKD2 e con la messa a punto di questi nuovi metodi sono stati screenati 26 casi familiari di reni policistico per le analisi mutazionali del gene *PKD2*.

Stesura di un progetto di ricerca con tutoraggio della Prof.ssa Alessandra Renieri e della dott.ssa Ilaria Meloni con il titolo: "Allestimento e analisi di un modello knock-out cellulare per il gene di ritardo mentale *FACL4*". Con approvazione dei PAR 2006.

2006 – 2007

- Collaborazione nella stesura di un progetto di ricerca dal titolo: "Allestimento e analisi di un modello di knock-out per il gene di ritardo mentale *FACL4*". (PAR 2006)

Tirocinio formativo con attività di ricerca svolta presso il laboratorio di Genetica Medica del Dipartimento di Biologia Molecolare dell'Faculdades Integradas de Sao Pedro (2004-2006):

2005-2006:

Progetto di ricerca in Genetica Medica "Polimorfismos no gene da *Adponectina* e o risco de Diabetes tipo 2 em pacientes obesos da população de Vitoria/ES", presso le Università brasiliane: FAESA, EMESCAM, HUCAM, USP,** occupandomi in particolare della raccolta di sangue periferico, interviste con i pazienti e identificazione del Polimorfismo 45 T>G nel gene di Adiponectina in pazienti diabetici e obesi.

Tirocinio formativo presso il laboratorio di Biologia Molecolare del Dipartimento di Genetica dell'Università (FAESA/EMESCAM) e presso l'ambulatorio del dipartimento di Endocrinologia dell' Università Federale del Espírito Santo (UFES) con assegno di ricerca presso il Fundo de Apoio a Ciência e Tecnologia (FACITEC).

**Per questo progetto ho collaborato presso le Università Brasiliane:

Faculdades Integradas de Sao Pedro " FAESA"

Escola Superior de Ciências da Santa Casa de Misericórdia de Vitória," EMESCAM"

Hospital Universitario Cassiano de Moraes "HUCAM"

Università del Estado del Espírito Santo "UFES"

Università di San Paolo "USP"

2004 – 2006:

Tirocinio formativo presso il laboratorio di Microbiologia come supporto tecnico al Progetto di ricerca in parassitologia "Aspectos da Prevalencia de Entoparasitoses em Crianças do Bairro Santo Andre, Vitoria/ES-Brasil" presso la Università brasiliana "FAESA" occupandomi in particolare della identificazione di endoparassitologia nell'esame delle feci dei bambini della città di Vitoria/ES-Brasile.

TECNICHE E COMPETENZE ACQUISITE

Durante il Post-Doc a Perugia e periodo lavorativo in Inghilterra ho acquisito competenze di Biologia Molecolare e Biologia Cellulare:

- Analisi dei dati di whole exome sequencing (WES), DNA ed RNA sequencing
- Coltura Cellulare di piccola e larga scala
- Clone PCR-amplified DNA fragments
- Western blot
- SDS Coomassie gel
- Cytospin e colorazione
- Immunofluorescenza ed Immunoistochimica
- Transfection
- Viral infection
- Trasformazione Batterica
- Manutenzione e lavoro in sterilità
- Tecniche per la produzione di Proteine
- Tecniche di ricerca per la produzione di anticorpi monoclonali
- cloning cells
- TFF Pellicon e concentrazione di proteine
- aSEQ (bases of Liquid Chromatography ÄKTA)

Durante il Dottorato di ricerca in Genetica Medica, presso l'U.O. di Genetica Medica ho acquisito competenze di Biologia Molecolare:

- Gel di acrilamide.
- Tecnica di sequenziamento DNA ed RNA.
- Metodiche di screening molecolare di malattie genetiche: DHPLC (Denaturing High performance Liquid Chromatography).
- Tecnica di Real Time PCR
- Tecnica di Array-CGH analisi (44k_105k).
- Tecnica di Multiplex Ligation-dependent Probe-amplification (MLPA) (Shouten JP et al., Nucleic Acid research;2002; MRC-Holand b.v)

Durante la prima esperienza di Tirocinio presso il Dipartimento di Biologia Molecolare e genetica ho acquisito competenze nell'ambito della Biologia Molecolare e genetica:

- Raccolta di sangue periferico (prelievo)
- Estrazione di DNA da sangue periferico
- Esecuzione e ottimizzazione di prodotti di PCR (polymerase Chain Reaction)
- Purificazione dei prodotti di PCR e estrazione del DNA da gel di Agarosio; elettroforesi.
- Digestione Enzimatica

STUDI

Post-dottorato con assegno di ricerca presso l'Istituto di Ematologia, direttore Prof. Falini B. responsabile del progetto Prof. Tiacci Enrico, Dipartimento di Medicina, Università degli Studi di Perugia (Italia) con progetto di ricerca mediante uso del sequenziamento dell'intero esoma umano con base di bioinformatica e biologia molecolare, lavorando sulla patogenesi dei linfomi e Leucemie. (dal gennaio 2011 a novembre 2014)

Dottorato di Ricerca in Genetica Medica Ph.D. "Doctor Europaeus" in data 01/10/2010 presso l'Università degli Studi di Siena (Italia) e in collaborazione con l'Università di Freiburg (Germania) con una tesi dal titolo "Molecular work-up of patients with the congenital variant of Rett syndrome: analysis of the 14q12 region" (Dottorato di ricerca con borsa Ministeriale MIUR dal 2006 al 2010).

Laurea Magistrale in SCIENZE BIOMOLECOLARI E ambientali (Im-6 - classe delle lauree magistrali in biologia) curriculum BIODIVERSITÀ E GESTIONE DELLE RISORSE NATURALI in data 23/04/2018 con la votazione 93/110. Con una tesi sperimentale dal titolo "Studi di Medicina Vegetale" - Relatore/i: Prof. Delfino Domenico, Prof. Venanzoni Roberto e Prof.ssa Bricchi Emma.

Laurea di primo livello in Scienze Biologiche (I-13 - classe delle lauree in scienze biologiche) indirizzo ambientale-naturalistico, in data 23/02/2015 con la votazione 94/110. Con una tesi sperimentale dal titolo "Identificazione di linee cellulari umane di Leucemia Acuta Mieloide con mutazioni distruttive di *BCOR* quale modello in vitro per lo studio del ruolo funzionale di *BCOR* nella leucemogenesi" - Relatore/i: Prof. Venanzoni Roberto e Prof. Tiacci Enrico.

Laurea in Scienze Biologiche in data 04/08/2006 presso la Faculdades Integradas de Sao Pedro, Brasile (FAESA sito internet: www.faesa.br) con una tesi sperimentale dal titolo "Composição de um banco de dna de pacientes com obesidade e estudo do polimorfismo 45t>g no gene da *adiponectina*". AEV - Associação Educacional de Vitória | Rodovia Serafim Derenzi, 3115 - São Pedro - Vitória / ES - CEP 29030-026 (Borsa di studio FACITEC) Dichiarazione di valore hai fine del riconoscimento in Italia con possibilità della continuità degli studi, rilasciato presso consolato Generale di Italia in data 21/09/2006.

CONOSCENZE LINGUISTICHE:

1. Portoghese -- madrelingua
2. Italiano -- madrelingua
3. Inglese – B2/C1 CLA UNIPG / Abingdon & Witney College, Oxford UK
4. Spagnolo – scolastico

LISTA DELLE PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE SU RIVISTA:

- 1:** Valentina Pettirossi [#] , Alessandra Venanzi [#] , **Ariele Spanhol-Rosseto** , Gianluca Schiavoni , Alessia Santi , Luisa Tasselli , Marta Naccari , Valentina Pensato , Alessandra Pucciarini , Maria Paola Martelli , Hans Drexler , Brunangelo Falini , Enrico Tiacci. The gene mutation landscape of acute myeloid leukemia cell lines and its exemplar use to study the BCOR tumor suppressor. *Leukemia* 2023 Jan 12. doi: 10.1038/s41375-022-01788-7. PMID: 36635390
- 2:** Tiacci E, Ladewig E, Schiavoni G, Penson A, Fortini E, Pettirossi V, Wang Y, **Rosseto A**, Venanzi A, Vlasevska S, Pacini R, Piattoni S, Tabarrini A, Pucciarini A, Bigerna B, Santi A, Gianni AM, Viviani S, Cabras A, Ascani S, Crescenzi B, Mecucci C, Pasqualucci L, Rabadan R, Falini B. Pervasive mutations of JAK-STAT pathway genes in classical Hodgkin lymphoma. *Blood*. 2018 May 31;131(22):2454-2465. doi: 10.1182/blood-2017-11-814913. Epub 2018 Apr 12. PMID: 29650799; PMCID: PMC6634958.
- 3:** Adoriso S, Fierabracci A, **Rosseto A**, Muscari I, Nardicchi V, Liberati AM, Riccardi C, Van Sung T, Thuy TT, Delfino DV. Integration of Traditional and Western Medicine in Vietnamese Populations: A Review of Health Perceptions and Therapies. *Nat Prod Commun*. 2016 Sep;11(9):1409-1416. PMID: 30807048. *NPC Natural Product Communications* 2016. Vol. 11No. 9 . 409 – 1416 Received: March 30th, 2016; Accepted: June 16th, 2016.
- 4:** Pettirossi V, Santi A, Imperi E, Russo G, Pucciarini A, Bigerna B, Schiavoni G, Fortini E, **Spanhol-Rosseto A**, Sportoletti P, Mannucci R, Martelli MP, Klein- Hitpass L, Falini B, Tiacci E. BRAF inhibitors reverse the unique molecular signature and phenotype of hairy cell leukemia and exert potent antileukemic activity. *Blood*. 2015 Feb 19;125(8):1207-16. doi: 10.1182/blood-2014-10-603100. Epub 2014 Dec 5. PMID: 25480661; PMCID: PMC4366655.
- 5:** De Filippis R, Pancrazi L, Bjørge K, **Rosseto A**, Kleefstra T, Grillo E, Panighini A, Cardarelli F, Meloni I, Ariani F, Mencarelli MA, Hayek J, Renieri A, Costa M, Mari F. Expanding the phenotype associated with FOXP1 mutations and in vivo FoxG1 chromatin-binding dynamics. *Clin Genet*. 2012 Oct;82(4):395-403. doi: 10.1111/j.1399-0004.2011.01810.x. Epub 2011 Dec 13. PMID: 22091895.
- 6:** Grossmann V, Tiacci E, Holmes AB, Kohlmann A, Martelli MP, Kern W, **Spanhol-Rosseto A**, Klein HU, Dugas M, Schindela S, Trifonov V, Schnittger S, Haferlach C, Bassan R, Wells VA, Spinelli O, Chan J, Rossi R, Baldoni S, De Carolis L, Goetze K, Serve H, Peceny R, Kreuzer KA, Oruzio D, Specchia G, Di Raimondo F, Fabbiano F, Sborgia M, Liso A, Farinelli L, Rambaldi A, Pasqualucci L, Rabadan R, Haferlach T, Falini B. Whole-exome sequencing identifies somatic mutations of BCOR in acute myeloid leukemia with normal karyotype. *Blood*. 2011 Dec 1;118(23):6153-63. doi: 10.1182/blood-2011-07-365320. Epub 2011 Oct 19. PMID: 22012066.
- 7:** Tiacci E, **Spanhol-Rosseto A**, Martelli MP, Pasqualucci L, Quentmeier H, Grossmann V, Drexler HG, Falini B. The NPM1 wild-type OCI-AML2 and the NPM1-mutated OCI-AML3 cell lines carry DNMT3A mutations. *Leukemia*. 2012 Mar;26(3):554-7. doi: 10.1038/leu.2011.238. Epub 2011 Sep 9. PMID: 21904384.
- 8:** Mencarelli MA, **Spanhol-Rosseto A**, Artuso R, Rondinella D, De Filippis R, Bahi-Buisson N, Nectoux J, Rubinsztajn R, Bienvenu T, Moncla A, Chabrol B, Villard L, Krumina Z, Armstrong J, Roche A, Pineda M, Gak E, Mari F, Ariani F, Renieri A. Novel FOXP1 mutations associated with the congenital variant of Rett syndrome. *J Med Genet*. 2010 Jan;47(1):49-53. doi: 10.1136/jmg.2009.067884. Epub 2009 Jul 2. PMID: 19578037.
- 9:** Ariani F, Hayek G, Rondinella D, Artuso R, Mencarelli MA, **Spanhol-Rosseto A**, Pollazzon M, Buoni S, Spiga O, Ricciardi S, Meloni I, Longo I, Mari F, Broccoli V, Zappella M, Renieri A. FOXP1 is responsible for the congenital variant of Rett syndrome. *Am J Hum Genet*. 2008 Jul;83(1):89-93. doi: 10.1016/j.ajhg.2008.05.015. Epub 2008 Jun 19. PMID: 18571142; PMCID: PMC2443837.
- 10:** Pettirossi V, Santi A, Imperi E, Russo G, Pucciarini A, Bigerna B, Schiavoni G, Fortini E, **Spanhol-Rosseto A**, Sportoletti P, Mannucci R, Martelli MP, Klein- Hitpass L, Falini B, Tiacci E. BRAF inhibitors reverse the unique molecular signature and phenotype of hairy cell leukemia and exert potent antileukemic activity. *Blood*. 2015 Feb 19;125(8):1207-16. doi: 10.1182/blood-2014-10-603100. Epub 2014 Dec 5. PMID: 25480661; PMCID: PMC4366655.

ABSTRAT CONGRESSI NAZIONALI :

Abstract n. 281 relativamente alla sessione C26 Pharmacognosy, dal titolo: "ANTI-RHEUMATOID ARTHRITIS ACTIVITY OF DECOCTION FROM THE LEAVES OF THE TREE ARTOCARPUS TONKINENSIS USED IN VIETNAMESE TRADITIONAL MEDICINE". (primo autore: **Ariele Rosseto**) comunicazione orale nell'ambito del 37° Congresso Nazionale della Società Italiana di Farmacologia "SIF" a Napoli dal 27 al 30 ottobre 2015.

Abstract n. 224 dal titolo "IDENTIFICAZIONE DI LINEE CELLULARI UMANE DI LEUCEMIA ACUTA MIELOIDE CON MUTAZIONI DISTRUTTIVE DI BCOR QUALE MODELLO IN VITRO PER LO STUDIO DEL RUOLO FUNZIONALE DI BCOR NELLA LEUCEMOGENESI" (primo autore: **Ariele Rosseto**) comunicazione orale nell'ambito del 44° Congresso Nazionale della Società Italiana di Ematologia "SIE" a Verona dal 20 al 23 ottobre 2013 presso la Fiera di Verona.

Società Italiana di genetica umana, "SIGU" (Firenze, Italia, 14-17/10/2010),
MUTAZIONI IN FOXG1 CHE CAUSANO RIDOTTA AFFINITÀ PER LA CROMATINA, SONO RESPONSABILI DELLA SINDROME DI RETT NELLA VARIANTE "RETT FRUSTE" CON FENOTIPO SOVRAPPONIBILE A QUELLO DA MUTAZIONE IN EHMT1. De Filippis R , Pancrazi , Bjørgo K , **Rosseto A** , Kleefstra T , Grillo E , Panighini A , Meloni I , Ariani F , Mencarelli MA, Hayek J , Renieri A , Costa M , Mari F . (*manuscript submitted to Human Mutations*)

(abstract di convegno, 2009) , 25 - 25, 1st European Congress on Rett Syndrome, Milano (Italia) dal 5/6/2009 al 7/6/2009 'Diagnostic flow-chart for Rett syndrome'
F. ARIANI, R. ARTUSO, R. DE FILIPPIS, HAYEK GIUSEPPE, F. MARI, I. MELONI, M. A. MENCARELLI, A. RENIERI, D. RONDINELLA, **A. ROSSETO**, M. POLLAZZON -

Società Italiana di genetica umana, "SIGU" (Genova) Italia, 23-25 novembre 2008
Il gene FOXG1 e responsabile della variante congenita della sindrome di Rett.
Ariani F, Hayek G, Rondinella D, Artuso R, Mencarelli MA, **Spanhol-Rosseto A**, Pollazzon M, Buoni S, Spiga O, Ricciardi S, Meloni I, Longo I, Mari F, Broccoli V, Zappella M, T Bienvenu, L. Villard, Z. Krumina, M. Pineda, F. Mari, Renieri A.

Società Italiana di genetica umana "SIGU" (Montecatini Terme - Italia, 2007)
Geni Modificatori nella Sindrome di Rett.
Ariani F.1,Scala E.1, **Rosseto A.1**, Caselli R.1, Papa F.1, Artuso R.1, Meloni I.1, Mazzini A.1, Pollazzon M.1, Uliana V.1, Mencarelli M.A.1, LaSalle J.2, Hayek G.3, Zappella M.3,
Mari F.1, Renieri A1.

ABSTRACT CONGRESSI INTERNAZIONALI :

(abstract di convegno, 2010) , 18 - 18, ESHG 2010, Gothenburg (Sweden) dal 12/6/2010 al 15/6/2010- 'A novel mild phenotype associated with FOXG1 gene- R. DE FILIPPIS, I. MELONI, M. AMENDUNI, **A. ROSSETO**, D. RONDINELLA, M. A. MENCARELLI, M. POLLAZZON, F. MARI, F. ARIANI, A. RENIERI

(abstract di convegno, 2010) , 17 - 17, 2nd European Rett syndrome Conference, Edinburgh (Scotland) dal 7/10/2010 al 10/10/2010 - 'FOXG1 mutation leading to reduced chromatin affinity causes "Rett fruste" overlapping with EHMT1 phenotype.' F. MARI, K. BJØRGO, L. PANCAZZI, M. A. MENCARELLI, F. ARIANI, I. MELONI, M. AMENDUNI, R. DE FILIPPIS, E. GRILLO, **A. ROSSETO**, M. POLLAZZON, J. HAYEK, M. COSTA, A. RENIERI

(abstract di convegno, 2010) , 20 - 21, 2nd European Rett syndrome Conference, Edinburgh (Scotland) dal 7/10/2010 al 10/10/2010- 'Induced pluripotent stem cells as a human model to study disease mechanisms in Rett syndrome.' I. MELONI, F. ARIANI, R. DE FILIPPIS, M. AMENDUNI, A. CHEUNG, R. ARTUSO, **A. ROSSETO**, E. GRILLO, F. MARI, M. A. MENCARELLI, M. POLLAZZON, J. HAYEK, S. RICCIARDI, V. BROCCOLI, J. ELLIS, A. RENIERI

(abstract di convegno, 2009) , 96 - 96, ESHG (2009), Vienna (Austria) dal 23/5/2009 al 26/5/2009- 'Congenital variant of Rett syndrome due to the FOXP1 gene

F. ARIANI, R. ARTUSO, BAHU-BUISSON , B. BEN-ZEEV, BIENVENU , CHABROL, C. FRANZINI ARMSTRONG, GAK, KRUMINA , F. MARI, MONCLA, M. A. MENCARELLI, NECTOUX, M. PINEDA, A. RENIERI, A. ROCHE, R. RUBINSZTAJN, D. RONDINELLA, **A. ROSSETO**, R. VILLARD

World Rett Syndrome Congress 2008 10-13 ottobre 2008 (Parigi)

FOXP1 is responsible for the congenital variant of Rett syndrome.

Ariani F, Hayek G, Rondinella D, Artuso R, Mencarelli MA, **Spanhol-Rosseto A**, Pollazzon M, Buoni S, Spiga O, Ricciardi S, Meloni I, Longo I, Mari F, Broccoli V, Zappella M, Renieri A.

ASHG 2008 _ Novembre 2008 (Philadelphia, Pennsylvania)

FOXP1 is responsible for the congenital variant of Rett syndrome.

Ariani F, Hayek G, Rondinella D, Artuso R, Mencarelli MA, **Spanhol-Rosseto A**, Pollazzon M, Buoni S, Spiga O, Ricciardi S, Meloni I, Longo I, Mari F, Broccoli V, Zappella M, Renieri A.

World Rett Syndrome Congress 2008 10-13 ottobre 2008 (Parigi)

Male Rett Syndrome Patient with mosaic MECP2 mutation.

Rosseto AS., Mari F., Mencarelli MA., Ariani F., Rondinella D., Artuso r., Meloni I., Pollazzon m., Zappella M., Renieri A.

(atto di convegno, 2006) , 36 - 36, 52° Congresso Brasileiro de Genetica , Foz do iguaçu - PR (Brasile) dal 3/9/2006 al 6/9/2006; 'Estudo do SNP45T>G no gene da Adiponectina em pacientes Obesos de Vitoria-ES Brasil' edito ed a cura di F. ERRERA, E. RABBI-BORTOLINI, **A. ROSSETO**, T. SILVA P. . CARVALHO, G. ELER, F. . ERRERA, M. R. PASSOS BUENO, L. PEREIRA, E. RABBI-BORTOLINI, A. ROSSETO, T. SILVA -

(atto di convegno, 2004) , 1 - 1, "Pesquisa Realizada na FAESA, Vitoria Espirito Santo (Brazil)" dal 10/9/2004 al 10/9/2004- 'Aspectos da prevalencia de endoparasitoses em pacientes do bairro Santo Andre, Vitoria-ES - W. DENADAI, T. MENDES DA SILVA, D. MUCHULLI, **A. ROSSETO**, N. THOMPSON

CORSI DI FORMAZIONE :

- 1) A-LfH e-Learning for Heathcare, NHS Health education England Vaccine administration, Core Knowledge for COVID-19 Vaccinators, Legal aspects 11 January 2021.
- 2) Bioinformatics of mouse phenotyping data, Laboratory Animal Science association LASA and MRC Harwell 5 July 2017 (5CPD points awarded)
- 3) Corso di Formazione del Università degli studi di Perugia: "Corretto approccio alla sperimentazione animale" dal 06 al 08 GIUGNO 2016, presso l'aula 4, edificio B, piano -2 del Dipartimento di Medicina e Chirurgia (Sant' Andrea delle Fratte), Perugia, Italy.
- 4) 37° Congresso Nazionale della Società Italiana di Farmacologia "SIF" a Napoli dal 27 al 30 ottobre 2015.
- 5) Webinar sulle applicazioni di Illumina e la preparazione di librerie. Online il 23 maggio 2014 15:00 – 16:00 (CEST) CRCH – CHIP- G- Rhine (6)
- 6) Next Generation Sequencing for Cancer Research Genomics, 17th April 2014, Roma, Italy
- 7) 44° Congresso Nazionale della Società Italiana di Ematologia "SIE" a Verona dal 20 al 23 ottobre 2013 presso la Fiera di Verona.
- 8) 1st Introductory course in bioinformatics 7-11 October 2013 – 31hours
- 9) Università Degli studi di Siena (maggio 27-28,2010) "Biobanking course"
- 10) Università Degli studi di Siena (aprile 08-09-29-30,2010) "Gestione di Biobanche Genetiche"
- 11) Regione Toscana presso Università Degli studi di Siena (il 03-06-2010) "Sindrome di Alport e Sindromi correlate".
- 12) Genova, 23-25 novembre 2008 "XI Congresso Nazionale: SIGU" Società Italiana di Genetica Umana.
- 13) Paris, October 10- 13, 2008, Maison de la Mutualite "6th Rett Syndrome Congress-A Hand Link from Ger to Care".
- 10) Università Degli studi di Siena (il 26-09-2008) "La diagnosi prenatale: presente e futuro".

- 11) Università Degli studi di Siena (il 30-01-2008) "Array-CGH:applicazioni nel ritardo mentale e nei tumori".
- 12) Seminario, "Seminar Interstitial Lung Disease, Biobanks/Databases", Università Degli Studi di Siena (il 21-11-2007)
- 13) V Giornata Scientifica della FAESA, 2005; Vitória/ES-Brasile
- 14) XXVII Congresso Brasiliano di Genetica Clinica, 2005; (SBGC) Curitiba/PR-Brasile (08,09,10,11/06/2005)
- 15) I SIMPLAM "Simpósio de plantas medicinais da FAESA", 2003; Vitória/ES-Brasile

CONOSCENZE INFORMATICHE

Sistemi operativi: Windows or Apple.

Microsoft Office: ottima conoscenza del pacchetto office.

Utilizzo di Internet per la ricerca.

Utilizzo dei data-base molecolare e della bioinformatica.

Utilizzo di Sofia Genetics e software bioinformatici per l'analisi dei dati per il sequenziamento del DNA/RNA.

ATTIVITA DIDATTICA

2015-2017: Supporto alla didattica del Corso di Laurea in Infermieristica, dipartimento di Medicina-Università degli studi di Perugia, sede di Foligno.

Collaborazione con Prof. Delfino Domenico V., Esercitazioni pratiche di Biologia cellulare e Farmacologia;

Collaborazione con Prof. Perito Stefano., Esercitazioni pratiche di Microbiologia

Collaborazione con Prof. Ascani Stefano; esercitazione pratica di Anatomia Patologica/Ematologia

2013-2014: Collaborazione con la Prof.ssa Laura Pasqualucci, come Cultore della materia per l'insegnamento di Malattie del sangue, Modulo del C.I. di Diagnostica Molecolare, Corso di Laurea in Biotecnologia.

2006-2010: Collaborazione con la Prof.ssa Alessandra Renieri., Esercitazioni pratiche nel corso di Genetica II anno di Laurea di Medicina e Chirurgia Università degli Studi di Siena, e supporto alla didattica del Corso di Laurea in Infermieristica UNISI sede di Arezzo.

2006: Abilitazione all'insegnamento con titolo di "licenciatura in scienze Biologiche" dal presso FAESA universita' a Vitoria ES, Brasile.

2005-2006: Insegnamento di Scienze Naturale alla Scuola Elementare Municipale "Maria Josè Costa de Morais" in Brasile.

2004-2005: Insegnante di inglese per i ragazzi della 2° e 3° media nel "Collegio Estadual de Vitoria-Es" Insegnamento di Biologia nel corso della Scuola Media dello Stato del Espirito Santo Brasile "Escola Estadual de Ensino Médio Professor Fernando Duarte Rabelo".

La sottoscritta Rosseto Arielle nata a maggio 1984 residente in Italia, dichiara che tutto quanto è sopra riportato corrisponde a verità ai sensi delle norme in materia di dichiarazioni sostitutive di cui agli artt. 46 e seguenti del D.P.R.445/2000.

La sottoscritta dichiara inoltre di non esercitare altre attività di lavoro autonomo, di non essere attualmente dipendente di altra amministrazione pubblica.

Ai sensi della normativa sulla Privacy autorizza il trattamento dei dati personali ivi contenuti.

Perugia, 2024