

TOP ITALIAN SCIENTIST



GIOVEDÌ 16 LUGLIO 2015, H. 14:00
POLO UNICO SILVESTRINI - SANT'ANDREA DELLE FRATTE
FACOLTÀ DI MEDICINA E CHIRURGIA, AULA 8

REGISTRAZIONE
GRATUITA SUL SITO
WWW.POLOGGB.COM

CROSS-STUDY REPRODUCIBILITY OF PREDICTIONS WITH APPLICATION TO GENOMICS



PROF. GIOVANNI PARMIGIANI
PROFESSOR AND CHAIR OF BIostatISTICS AND COMPUTATIONAL BIOLOGY
HARVARD SCHOOL OF PUBLIC HEALTH, BOSTON

Diverse sono le alterazioni genetiche individuate su pazienti con carcinoma ovarico in fase avanzata, tuttavia il gran numero di dati pubblicati derivanti da differenti metodi di analisi ha reso difficile un confronto oggettivo. Nonostante ciò, la moltitudine di dati di espressione oggi disponibili ha aperto nuove opportunità per validare risultati precedentemente ottenuti, consentendo di individuare "alterazioni genetiche" statisticamente significative. L'equipe di ricerca del Prof. Parmigiani ha creato un database organizzando ed elaborando in maniera uniforme dati risultanti da esperimenti con tecnologia microarray per il carcinoma ovarico e da annotazioni cliniche, oltre ad aver implementato e validato 14 "alterazioni genetiche" pubblicate tra il 2007 e il 2012.

In occasione del seminario, il Prof. Parmigiani intende descrivere la metodologia e gli strumenti sviluppati per validare le "alterazioni genetiche" che vengono di volta in volta pubblicate oltre a voler coinvolgere la platea in una discussione generale sui metodi statistici da utilizzare per esplorare una collezione di dati relativi ad un determinato studio.

ULTIME PUBBLICAZIONI

Trippa L, Wen PY, Parmigiani G, Berry DA, Alexander BM. Combining progression-free survival and overall survival as a novel composite endpoint for glioblastoma trials. *Neuro Oncol* Jan 2015.

Tomasetti C, Marchionni L, Nowak MA, Parmigiani G, Vogelstein B. Only three driver gene mutations are required for the development of lung and colorectal cancers. *Proc Natl Acad Sci U S A* 112; 118-123 Jan 2015. PMID: PMC4291633.

Wang C, Dominici F, Parmigiani G, Zigler CM. Accounting for uncertainty in confounder and effect modifier selection when estimating average causal effects in generalized linear models. *Biometrics* Apr 2015

Hatchi E, Skourti-Stathaki K, Ventz S, Pinello L, Yen A, Kamieniarz-Gdula K, Dimitrov S, Pathania S, McKinney KM, Eaton ML, Kellis M, Hill SJ, Parmigiani G, Proudfoot NJ, Livingston DM. Brca1 recruitment to transcriptional pause sites is required for r-loop-driven dna damage repair. *Mol Cell* 57; 636-647 Feb 2015

Trippa L, Waldron L, Huttenhower C, Parmigiani G. Bayesian nonparametric cross-study validation of prediction methods. *Ann Appl Stat* 9; 402-428 2015.

PARTECIPA ALLA
TOP ITALIAN
STUDENT
COMPETITION

IL SEMINARIO T.I.S. SI TERRÀ PRESSO
IL POLO UNICO SILVESTRINI - FACOLTÀ DI MEDICINA E CHIRURGIA
SANT'ANDREA DELLE FRATTE (PG)

PER INFO E AGGIORNAMENTI:
WWW.POLOGGB.COM / INFO@POLOGGB.COM
TEL. +39 075 5858364